Autism-psl - Etude longitudinale sur des patients atteints de troubles du spectre autistique : facteurs génétiques impliqués

Responsable(s) :Héron Delphine

Depienne Christel, CRICM - UPMC/Inserm UMR S975/CNRS UMR7225

Date de modification: 15/04/2013 | Version: 2 | ID: 5169

Date de Modification : 13/04/2013 Version : 2 ID : 3103		
Général		
Identification		
Nom détaillé	Etude longitudinale sur des patients atteints de troubles du spectre autistique : facteurs génétiques impliqués	
Sigle ou acronyme	Autism-psl	
Numéro d'enregistrement (ID- RCB ou EUDRACT, CNIL, CPP, etc.)	CPP: 26/10/2012, CPP/74-12 - ID RCB : 2012- A00936-37 - autorisation ansm : B121009-40	
Thématiques générales		
Domaine médical	Déficiences et handicaps Pédiatrie Psychologie et psychiatrie	
Déterminants de santé	Génétique	
Mots-clés	Autisme, génétique	
Mots-clés Responsable(s) scientifique(s)	Autisme, génétique	
	Autisme, génétique Héron	
Responsable(s) scientifique(s)		
Responsable(s) scientifique(s) Nom du responsable	Héron	
Responsable(s) scientifique(s) Nom du responsable Prénom	Héron Delphine UF de Génétique Clinique, Bâtiment Pinel, 47	
Responsable(s) scientifique(s) Nom du responsable Prénom Adresse	Héron Delphine UF de Génétique Clinique, Bâtiment Pinel, 47 boulevard de l'Hôpital, 75651 Paris cedex 13	
Responsable(s) scientifique(s) Nom du responsable Prénom Adresse Téléphone	Héron Delphine UF de Génétique Clinique, Bâtiment Pinel, 47 boulevard de l'Hôpital, 75651 Paris cedex 13 + 33 (0)1 42 16 13 48	
Responsable(s) scientifique(s) Nom du responsable Prénom Adresse Téléphone Email	Héron Delphine UF de Génétique Clinique, Bâtiment Pinel, 47 boulevard de l'Hôpital, 75651 Paris cedex 13 + 33 (0)1 42 16 13 48 delphine.heron@psl.aphp.fr	
Responsable(s) scientifique(s) Nom du responsable Prénom Adresse Téléphone Email Organisme	Héron Delphine UF de Génétique Clinique, Bâtiment Pinel, 47 boulevard de l'Hôpital, 75651 Paris cedex 13 + 33 (0)1 42 16 13 48 delphine.heron@psl.aphp.fr APHP	

Téléphone	+ 33 (0)1 57 27 46 69
Email	christel.depienne@upmc.fr
Laboratoire	CRICM - UPMC/Inserm UMR_S975/CNRS UMR7225
Organisme	Inserm
Collaborations	
Financements	
Financements	Publique
Précisions	Fondation de France
Gouvernance de la base de données	
Organisation(s) responsable(s) ou promoteur	INSERM - Institut National de la Santé et de la Recherche Médicale
Statut de l'organisation	Secteur Public
Contact(s) supplémentaire(s)	
Caractéristiques	
Type de base de données	
Type de base de données	Bases de données issues d'enquêtes
Base de données issues d'enquêtes, précisions	Etudes longitudinales (hors cohortes)
Origine du recrutement des participants	Via une sélection de services ou établissements de santé
Le recrutement dans la base de données s'effectue dans le cadre d'une étude interventionnelle	Non
Objectif de la base de données	
Objectif principal	Constituer une cohorte de patients atteints de troubles autistiques et bien évalués sur le plan clinique. Identifier des facteurs génétiques impliqués dans les troubles du spectre autistique. Etablir des corrélations génotype-phénotype.

Critères d'inclusion	Signature du formulaire de consentement Affiliation à un régime de sécurité sociale Troubles du spectre autistique
Type de population	
Age	Nourrissons (28j à 2 ans) Petite enfance (2 à 5 ans) Enfance (6 à 13 ans) Adolescence (13 à 18 ans) Adulte (19 à 24 ans) Adulte (25 à 44 ans) Adulte (45 à 64 ans)
Population concernée	Sujets malades
Sexe	Masculin Féminin
Champ géographique	Local
Régions concernées par la base de données	Île-de-France
Détail du champ géographique	Pité-Salpêtrière
Collecte	
Dates	
Dates Année du premier recueil	2009
	2009
Année du premier recueil	2009 < 500 individus
Année du premier recueil Taille de la base de données Taille de la base de données (en	
Année du premier recueil Taille de la base de données Taille de la base de données (en nombre d'individus)	< 500 individus
Année du premier recueil Taille de la base de données Taille de la base de données (en nombre d'individus) Détail du nombre d'individus	< 500 individus
Année du premier recueil Taille de la base de données Taille de la base de données (en nombre d'individus) Détail du nombre d'individus Données	< 500 individus 200
Année du premier recueil Taille de la base de données Taille de la base de données (en nombre d'individus) Détail du nombre d'individus Données Activité de la base	< 500 individus 200 Collecte des données active Données cliniques
Année du premier recueil Taille de la base de données Taille de la base de données (en nombre d'individus) Détail du nombre d'individus Données Activité de la base Type de données recueillies	< 500 individus 200 Collecte des données active Données cliniques Données biologiques Dossier clinique
Année du premier recueil Taille de la base de données Taille de la base de données (en nombre d'individus) Détail du nombre d'individus Données Activité de la base Type de données recueillies Données cliniques, précisions	< 500 individus 200 Collecte des données active Données cliniques Données biologiques Dossier clinique Examen médical

Contenu de la biothèque	ADN
Détail des éléments conservés	ADN
Paramètres de santé étudiés	Evénements de santé/morbidité
Modalités	
Mode de recueil des données	Entretien avec le patient ou ses parents en consultation de génétiqueExamen clinique
Suivi des participants	Oui
Détail du suivi	A chaque consultation de génétique
Appariement avec des sources administratives	Non
Valorisation et accès	
Valorisation et accès	
Lien vers le document	http://tinyurl.com/PUBMED-Autism-psl
Description	Liste des publications dans Pubmed
Accès	
Charte d'accès aux données (convention de mise à disposition, format de données et délais de mise à disposition)	C Nava, B Keren, C Mignot A Rastetter, S Chantot-Bastaraud, A Faudet, C Amiet, C Laurent, A Jacquette, S Whalen, A Afenjar, D Périsse, D Doummar, N Dorison, M Leboyer, J.P. Siffroi, D Cohen, A Brice, D Héron, C Depienne. Prospective diagnostic analysis using SNP microarrays in patients with autism spectrum disorders. Soumis à EJHG.
	C Nava, F Lamari, D Héron, C Mignot, A Rastetter, B Keren, D Cohen, A Faudet, D Bouteiller, M Gilleron, A Jacquette, S Whalen, A Afenjar, D Périsse, C Laurent, C Dupuits, C Gautier, M Gérard, G Huguet, S Caillet, B Leheup, M Leboyer, C Gillberg, R Delorme, T Bourgeron, A Brice, C Depienne. Analysis of the chromosome X exome in patients with Autism Spectrum Disorders identified novel candidate genes including TMLHE.

Accès aux données agrégées Accès restreint sur projet spécifique

Accès aux données individuelles Accès restreint sur projet spécifique

Translational Psychiatry (sous presse).