

LICORNE - Predictive factors for mortality at D28 for patients managed at Lille University Hospital for COVID-19

Responsable(s) : CHOPIN Marie Charlotte
DEPLANQUE Dominique

Date de modification : 05/05/2021 | Version : 1 | ID : 73660

Général

Identification

Nom détaillé Predictive factors for mortality at D28 for patients managed at Lille University Hospital for COVID-19

Sigle ou acronyme LICORNE

Numéro d'enregistrement (ID-RCB ou EUDRACT, CNIL, CPP, etc.) n°ID-RCB : 2020-A01514-35 , NCT 04475211

Thématiques générales

Domaine médical Anesthesiology ? Intensive care
Biology
Immunology
Infectious diseases

Etude en lien avec la Covid-19 Yes

Pathologie, précisions "suspect patients", "possible cases", "probable cases" or "confirmed cases" of SARS-CoV-2 infection

Responsable(s) scientifique(s)

Nom du responsable CHOPIN

Prénom Marie Charlotte

Organisme Lille University Hospital

Nom du responsable DEPLANQUE

Prénom Dominique

Organisme CHU de Lille

Collaborations

Financements

Financements	Public
Précisions	i-site Lille
Gouvernance de la base de données	
Organisation(s) responsable(s) ou promoteur	Lille University Hospital
Statut de l'organisation	Secteur Public
Existence de comités scientifique ou de pilotage	Yes
Contact(s) supplémentaire(s)	
Nom du contact	SCHWARB
Prénom	Laurent
Adresse	Direction de la Recherche et de l'Innovation, Bâtiment ex USN-B 6 rue du Pr Laguesse, 59037 Lille cedex
Téléphone	03.20.44.41.45
Email	drs.promotion@chru-lille.fr
Organisme	Lille University Hospital - Research Division Promotion Unit
Caractéristiques	
Type de base de données	
Type de base de données	Others
Préciser	Non-interventional clinical trial database corresponding to level 3 human research
Base de données issues d'enquêtes, précisions	Cohort study
Origine du recrutement des participants	A selection of health institutions and services
Le recrutement dans la base de données s'effectue dans le cadre d'une étude interventionnelle	No

Objectif de la base de données

Objectif principal	<p>The primary objective of this study is to identify the predictive factors for mortality at D28 of SARS-CoV-2 infection in patients managed for COVID-19 at Lille University Hospital, via the creation of an epidemiological, clinical, biological, immunological, genetic, microbiological, pathological, radiological and therapeutic database, indicating the results of functional tests.</p> <p>NB: The analysis will exclude patients who are "confirmed cases" with serious SARS-CoV-2 infection managed in a conventional medicine department owing to the therapeutic limitations (TL) which existed prior to SARS-CoV-2 infection, due to incurable disease or underlying comorbidities.</p>
Critères d'inclusion	Any adult patient, "suspect patients", "possible cases", "probable cases" or "confirmed cases" of SARS-CoV-2 infection admitted to Lille University Hospital.

Type de population

Age	Adolescence (13 to 18 years) Adulthood (19 to 24 years) Adulthood (25 to 44 years) Adulthood (45 to 64 years) Elderly (65 to 79 years) Great age (80 years and more)
Population concernée	Sick population
Pathologie	B33 - Other viral diseases, not elsewhere classified
Sexe	Male Woman
Champ géographique	Local
Régions concernées par la base de données	Nord - Pas-de-Calais Picardie
Détail du champ géographique	Patients having attended an appointment or admitted to Lille University Hospital for suspected COVID

Collecte

Dates

Année du premier recueil	2020
--------------------------	------

Taille de la base de données

Taille de la base de données (en nombre d'individus) [1000-10 000[individuals

Détail du nombre d'individus 1000

Données

Activité de la base Current data collection

Type de données recueillies
Clinical data
Paraclinical data
Biological data

Données cliniques, précisions
Direct physical measures
Medical registration

Données paracliniques, précisions
Patient treatment path, epidemiological data

Données biologiques, précisions
standard care laboratory work-up, PCR diagnosis, other microbiological tests,

Existence d'une bibliothèque Yes

Contenu de la bibliothèque
Serum
Plasma
Blood cells isolated
Fluids (saliva, urine, amniotic fluid, ?)
Tissues

Détail des éléments conservés
EDTA, heparin and citrate serum and plasma, PBMC, nasopharyngeal samples, tissue taken from post-mortem examinations

Paramètres de santé étudiés
Health event/morbidity
Health event/mortality

Modalités

Mode de recueil des données
Retrospective collection for the first wave of COVID, the prospective collection from September 2020

Suivi des participants Yes

Modalités de suivi des participants
Monitoring by contact with the participant (mail, e-mail, telephone etc.)
Monitoring by convocation of the participant

Détail du suivi	For patients followed up in an outpatient setting: data collection at D0, D9, D30, M3 and M6. - For hospitalised patients: data collection at D1, D3, D5, D7, D9, D14, D30, M3 and M6
-----------------	---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

Appariement avec des sources administratives	No
----------------------------------------------	----

Valorisation et accès

Valorisation et accès

Lien vers le document	https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/32708264/
-----------------------	---------------------------------------------------------------------------------------------------

Description	Clinico-Biological Features and Clonal Hematopoiesis in Patients with Severe COVID-19 Endotheliopathy Is Induced by Plasma From Critically Ill Patients and Associated With Organ Failure in Severe COVID-19 Severe SARS-CoV-2 patients develop a higher specific T-cell response
-------------	-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------

Lien vers le document	https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/32970476/
-----------------------	---------------------------------------------------------------------------------------------------

Lien vers le document	https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/33376594/
-----------------------	---------------------------------------------------------------------------------------------------

Accès