

# ERISCAM - Cohorte de familles françaises avec une mutation d'un gène MMR identifiée : estimation des risques de cancers

Responsable(s) :Lasset Christine, Prevention and genetics epidemiology

Bonadona Valérie

Bonaiti-Pellie Catherine , Genetics epidemiology and human population structures

Olschwang Sylviane , Medical Genetics and Functional Genomics

Date de modification : 01/01/2019 | Version : 3 | ID : 73086

## Général

### Identification

Nom détaillé Cohorte de familles françaises avec une mutation d'un gène MMR identifiée : estimation des risques de cancers

Sigle ou acronyme ERISCAM

Numéro d'enregistrement (ID-RCB ou EUDRACT, CNIL, CPP, etc.)

CNIL

### Thématiques générales

Domaine médical Cancérologie  
Gastro-entérologie et hépatologie  
Gynécologie obstétrique

Pathologie, précisions Syndrome de Lynch

Déterminants de santé Génétique

Mots-clés Syndrome de Lynch, gynécologie, gènes MMR, MLH1, MSH2, MSH6, risque cumulé, cancer, colorectal, génétique, mutation

### Responsable(s) scientifique(s)

Nom du responsable Lasset

Prénom Christine

Téléphone +33 (0)4 78 78 28 27

Email christine.lasset@lyon.unicancer.fr

Laboratoire Prevention and genetics epidemiology

Organisme CNRS

|                    |                                    |
|--------------------|------------------------------------|
| Nom du responsable | Bonadona                           |
| Prénom             | Valérie                            |
| Téléphone          | 33 (0)4 78 78 27 66                |
| Email              | valerie.bonadona@lyon.unicancer.fr |
| Organisme          | CNRS                               |

|                    |   |
|--------------------|---|
| Nom du responsable | Bonaiti-Pellie  |
| Prénom             | Catherine   |
| Téléphone          | 33 (0)1 45 59 53 61                                   |
| Email              | catherine.bonaiti@inserm.fr                           |
| Laboratoire        | Genetics epidemiology and human population structures |
| Organisme          | Inserm  |

|                    |  |
|--------------------|--|
| Nom du responsable | Olschwang                                |
| Prénom             | Sylviane                                 |
| Téléphone          | +33 (0) 491 324 884                      |
| Email              | sylviane.olschwang@inserm.fr             |
| Laboratoire        | Medical Genetics and Functional Genomics |
| Organisme          | Inserm                                   |

## Collaborations

## Financements

|              |       |
|--------------|-------|
| Financements | Privé |
|--------------|-------|

|            |                     |
|------------|---------------------|
| Précisions | Fondation de France |
|------------|---------------------|

## Gouvernance de la base de données

|   |                    |
|---|--------------------|
| Organisation(s) responsable(s) ou promoteur | Centre Léon Bérard |
| Statut de l'organisation                    | Secteur Privé      |

## Contact(s) supplémentaire(s)

## Caractéristiques

### Type de base de données

|   |  |
|---|--|
| Type de base de données   | Bases de données issues d'enquêtes         |
| Base de données issues d'enquêtes, précisions   | Etudes de cohortes                         |
| Origine du recrutement des participants   | Via une base administrative ou un registre |
| Le recrutement dans la base de données s'effectue dans le cadre d'une étude interventionnelle | Non  |

### Objectif de la base de données

|                      |   |
|----------------------|---|
| Objectif principal   | Objectif est d'estimer de façon fiable et précise les risques des différentes tumeurs chez les sujets porteurs d'une mutation d'un gène MMR   |
| Critères d'inclusion | Familles françaises avec une mutation d'un gène MMR identifiée , recrutées par les 40 centres de consultation d'oncogénétique participants à l'étude, tous membres du Groupe Génétique et Cancer. |

### Type de population

|     |   |
|-----|---|
| Age | Adulte (19 à 24 ans)<br>Adulte (25 à 44 ans)<br>Adulte (45 à 64 ans)<br>Personnes âgées (65 à 79 ans)<br>Grand âge (80 ans et plus) |
|-----|---|

Population concernée      Sujets malades

Sexe      Masculin  
Féminin

Champ géographique      National

Détail du champ géographique      France

## Collecte

### Dates

Année du premier recueil      2007

Année du dernier recueil      2009

## Taille de la base de données

Taille de la base de données (en nombre d'individus) [1000-10 000] individus

Détail du nombre d'individus 537 familles/families (248 : MSH1 mutation, 256 MSH2 mutation, 33 MSH6 mutation). 2622 patients

## Données

Activité de la base Collecte des données terminée

Type de données recueillies Données cliniques  
Données déclaratives

Données cliniques, précisions Dossier clinique

Détail des données cliniques recueillies Sexe, age, age du dernier suivi, histoire du cancer (site, age du diagnostic, mort), mutation statut, modalité de surveillance colonoscopique, chirurgie colorectale ou gynécologique

Données déclaratives, précisions Face à face

Détail des données déclaratives recueillies Même information si dossier médical pas disponible

Existence d'une bibliothèque Non

## Modalités

Suivi des participants Oui

Détail du suivi 2006, 2007, 2009

Appariement avec des sources administratives Oui

## Valorisation et accès

### Valorisation et accès

Lien vers le document <http://www.hnpcc-lynch.com/?p=515>

Lien vers le document <http://tinyurl.com/PUBMED-ERISCAM>

Description Liste des publications dans Pubmed

Lien vers le document <http://tinyurl.com/HAL-ERISCAM>

Description Liste des publications dans HAL

## Accès

Charte d'accès aux données  
(convention de mise à  
disposition, format de données  
et délais de mise à disposition)

Contactez le responsable scientifique

Accès aux données agrégées

Accès restreint sur projet spécifique

Accès aux données individuelles

Accès restreint sur projet spécifique