

# BRCA Share - Étude longitudinale des variants des gènes BRCA1 et BRCA2

Responsable(s) : Stoppa-Lyonnet Dominique, Service de génétique  
Caputo Sandrine, Service de Génétique

Date de modification : 10/03/2015 | Version : 1 | ID : 33456

## Général

### Identification

Nom détaillé Étude longitudinale des variants des gènes BRCA1 et BRCA2

Sigle ou acronyme BRCA Share

### Thématiques générales

Domaine médical Cancérologie  
Maladies rares

Pathologie, précisions Cancer du sein et de l'ovaire

Déterminants de santé Génétique

Mots-clés BRCA1, BRCA2, ovaire, cancer, sein, mutation, base clinico-biologique

### Responsable(s) scientifique(s)

Nom du responsable Stoppa-Lyonnet

Prénom Dominique

Adresse 26 rue d'ULM 75248 Paris

Email dominique.stoppa-lyonnet@curie.fr

Laboratoire Service de génétique

Organisme Institut

Nom du responsable Caputo

Prénom Sandrine

Adresse 26 rue d'ULM 75248 Paris

Email sandrine.caputo@curie.fr

Laboratoire Service de Génétique

Organisme	Institut
<b>Collaborations</b>	
Participation à des projets, des réseaux, des consortiums	Oui
Précisions	Consortiums ENIGMA et le BRCA challenge de la « Global alliance for Genomics and health »
<b>Financements</b>	
Financements	Mixte
Précisions	Quest Diagnostics, l'Inserm et, le GGC d'UNICANCER et les 5 CHUs associés, appuyés par Inserm Transfert
<b>Gouvernance de la base de données</b>	
Organisation(s) responsable(s) ou promoteur	Institut Curie
Statut de l'organisation	Secteur Public
Existence de comités scientifique ou de pilotage	Oui
<b>Contact(s) supplémentaire(s)</b>	
<b>Caractéristiques</b>	
<b>Type de base de données</b>	
Type de base de données	Bases de données issues d'enquêtes
Base de données issues d'enquêtes, précisions	Etudes longitudinales (hors cohortes)
Origine du recrutement des participants	Via une sélection de services ou établissements de santé
Le recrutement dans la base de données s'effectue dans le cadre d'une étude interventionnelle	Non
<b>Objectif de la base de données</b>	
Objectif principal	L'objectif de BRCA Share? est d'accélérer la recherche sur les mutations des gènes BRCA,

particulièrement sur les variants de signification inconnue, pour améliorer les capacités de diagnostic et d'identification des personnes susceptibles de développer un cancer du sein ou de l'ovaire.

Critères d'inclusion	Patients porteurs de mutations des gènes BRCA1 et BRCA2 consultant dans un centre participant
<b>Type de population</b>	
Age	Adulte (19 à 24 ans) Adulte (25 à 44 ans) Adulte (45 à 64 ans) Personnes âgées (65 à 79 ans) Grand âge (80 ans et plus)
Population concernée	Sujets malades
Sexe	Masculin Féminin
Champ géographique	National
Détail du champ géographique	France
<b>Collecte</b>	
<b>Dates</b>	
Année du premier recueil	2000
<b>Taille de la base de données</b>	
Taille de la base de données (en nombre d'individus)	[10 000-20 000[ individus
Détail du nombre d'individus	16015
<b>Données</b>	
Activité de la base	Collecte des données active
Type de données recueillies	Données cliniques
Données cliniques, précisions	Dossier clinique
Détail des données cliniques recueillies	Données familiales recueillies auprès des consultants de génétique
Existence d'une bibliothèque	Oui

Contenu de la bibliothèque	ADN
Paramètres de santé étudiés	Événements de santé/morbidité Événements de santé/mortalité

## Modalités

Suivi des participants	Oui
Appariement avec des sources administratives	Oui

## Valorisation et accès

### Valorisation et accès

Lien vers le document	<a href="http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/22144684">http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed/22144684</a>
-----------------------	---

## Accès

Charte d'accès aux données (convention de mise à disposition, format de données et délais de mise à disposition)	Contactez le responsable
Accès aux données agrégées	Accès restreint sur projet spécifique
Accès aux données individuelles	Accès restreint sur projet spécifique